

URGO
FR 72 2475 2890

Né le : 14/04/2023

Propriétaire : GAEC THOMASIN

72430 CHANTENAY VILLEDIEU

N° Station : 224

RRJ*

ASCENDANCE ET INDEX IBOVAL (CD)

(BL.PF.23.2)

Père (g) ROY FR 6414949939
EVS

IFNAIS	CR sev	DM sev	DS sev	FOS sev	ISEVR	AVel	ALait	IVMAT
96 (0,81)	112	119	113	102	122 (0,70)	119		128 (0,46)

G.M.P	NAFARROA		Qualif.
	FR 6414686774		
IFNAIS	ALait	IVMAT	ISU
92	97	108	MTE 111
Age 1° Vel	IVV	RV	
35	368	5	

Mère OYANA FR 7224752672
MAT

IFNAIS	CR sev	DM sev	DS sev	FOS sev	ISEVR	AVel	ALait	IVMAT
97 (0,52)	104	93	106	89	101 (0,46)	81	101	97 (0,43)

Reproduction Mère			ISU
Age 1° Vel	IVV	RV	105
32	397	3	

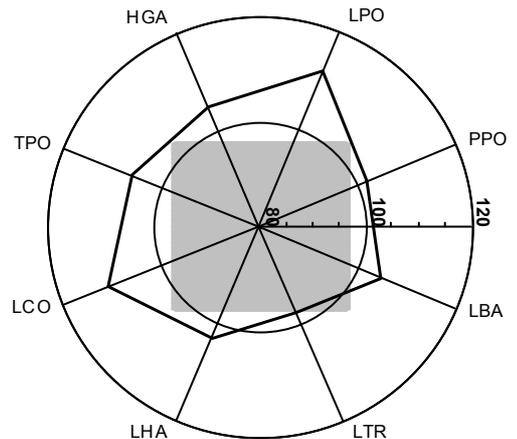
INDEX DE VALEUR GÉNÉTIQUE APRÈS CONTRÔLE EN STATION (CD)

IFNAIS asc	CR	DM	DS	QR	AF	OP	IABV	IMOCR
=	106 (0,34)	102 (0,42)	108 (0,41)	114 (0,35)	101 (0,35)	89 (0,35)	107 (0,36)	106 (0,37)

PERFORMANCES RÉALISÉES EN STATION

Mensurations externes (index) le 15/03/2024

HGA Hauteur garrot	134 (105)	LTR Largeur trochanters	50 (98)
TPO Tour poitrine	195 (106)	LBA Longueur bassin	54 (105)
LCO Longueur corps	159 (111)	PPO Profondeur poitrine	66 (102)
LHA Largeur hanches	51 (103)	LPO Largeur poitrine	53 (112)



Mensurations internes (en index) :

HSP Hauteur sacro-pubienne	170 (97)	FC Finesse de cuir	120 (90)
BIM Bi-iliaque médian	130 (98)		

Poids le 10/04/2024 : 626 kg GMQ en contrôle 1788 g/j

Morphologie brute en écart à la série (composite en % de la série)

DM	102% /série	DS	112% /série	QR	115% /série	AF	106% /série	NG	109% /série
Dessus épaule	+	Longueur de dessus	+++	Expression tête	+++	Aplombs avant	=		
Largeur du dos	=	Longueur de bassin	+++	Eclairage de tête	+++	Aplombs arrière	+		
Arrondi de culotte	++	Largeur aux hanches	+	Couleur de robe	+++	Rectitude du dessus	+		
Largeur de culotte	++	Développement	+++	Finesse	++	Profondeur de poitrine	++		
Épaisseur du dessus	+	Largeur trochanters	++	Dessin de muscle	++	Largeur du bassin	++		
Longueur de culotte	+	Longueur corps	+++	Harmonie du bassin	+++	Largeur ischions	+		
				Harmonie	+++	Inclinaison du Bassin optim	+++		

Observations :

Gene de coloration de robe - Homozygote soutenu