

ULEDI

FR 47 4756 1548

Né le : 04/04/2023

Propriétaire : SCEA CAMPMAS

47300 LEDAT

N° Station : 218

RRJ

ASCENDANCE ET INDEX IBOVAL (CD)

(BL.PF.23.2)

Père OCEAN FR 4747478068
RVS

IFNAIS	CR sev	DM sev	DS sev	FOS sev	ISEVR	AVel	ALait	IVMAT
90 (0,87)	119	100	107	96	114 (0,79)			105 (0,55)

G.M.P (g)	CARMEN		Qualif.
	FR 8522797929		
IFNAIS	ALait	IVMAT	ISU
103	86	96	MTE 112
Age 1° Vel	IVV	RV	
38	358	5	

Mère LEDIE FR 4747421513
MTE

IFNAIS	CR sev	DM sev	DS sev	FOS sev	ISEVR	AVel	ALait	IVMAT
92 (0,51)	112	94	107	99	107 (0,44)	100	104	109 (0,45)

Reproduction Mère			ISU
Age 1° Vel	IVV	RV	112
35	362	6	

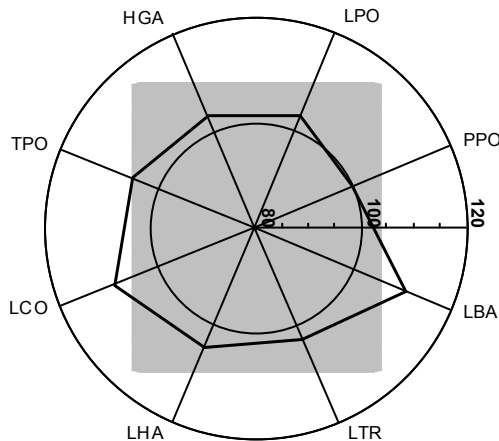
INDEX DE VALEUR GÉNÉTIQUE APRÈS CONTRÔLE EN STATION (CD)

IFNAIS asc	CR	DM	DS	QR	AF	OP	IABV	IMOCR
-	113 (0,31)	103 (0,39)	101 (0,38)	102 (0,30)	99 (0,30)	103 (0,30)	113 (0,33)	109 (0,34)

PERFORMANCES RÉALISÉES EN STATION

Mensurations externes (index) le 15/03/2024

HGA Hauteur garrot	133 (103)	LTR Largeur trochanters	52 (103)
TPO Tour poitrine	194 (105)	LBA Longueur bassin	56 (111)
LCO Longueur corps	157 (109)	PPO Profondeur poitrine	65 (100)
LHA Largeur hanches	52 (105)	LPO Largeur poitrine	49 (103)



Mensurations internes (en index) :

HSP Hauteur sacro-pubienne	190 (109)	FC Finesse de cuir	120 (90)
BIM Bi-iliaque médian	140 (105)		

Poids le 10/04/2024 : 629 kg GMQ en contrôle 1918 g/j

Morphologie brute en écart à la série (composite en % de la série)

DM	102% /série	DS	101% /série	QR	104% /série	AF	96% /série	NG
Dessus épaule	+	Longueur de dessus	++	Expression tête	++	Aplombs avant	=	101% /série
Largeur du dos	+	Longueur de bassin	++	Eclairage de tête	+++	Aplombs arrière	-	
Arrondi de culotte	++	Largeur aux hanches	++	Couleur de robe	+++	Rectitude du dessus	=	
Largeur de culotte	++	Développement	+	Finesse	+	Profondeur de poitrine	++	
Épaisseur du dessus	+	Largeur trochanters	++	Dessin de muscle	+	Largeur du bassin	++	
Longueur de culotte	=	Longueur corps	++	Harmonie du bassin	+++	Largeur ischions	+	
				Harmonie	++	Inclinaison du Bassin optim	+++	

Observations :

Gene de coloration de robe - Homozygote soutenu